



## DIVERSIDADE GENÉTICA E CARACTERIZAÇÃO DE DESCRITORES DE SERINGUEIRA

Matheus Ribeiro **Lemos**<sup>1</sup> Helimar Balarone da Silva **Sporch**<sup>2</sup>; Lucas Soares **Barco**<sup>3</sup>, Erivaldo José **Scaloppi Junior**<sup>4</sup>, Isabela de Castro **Sant'Anna**<sup>5</sup>

Nº 20133

**RESUMO** O Instituto Agrônomo (IAC) vem sendo responsável pelos esforços no melhoramento genético da seringueira no Brasil, e tem como um dos principais fundamentos, a obtenção de indivíduos com alto potencial de produção. Para que esses esforços continuem dando resultados é necessário preservar a diversidade genética na população de melhoramento. Dessa forma, o presente trabalho tem como objetivo estudar a diversidade genética dos genótipos de seringueira por meio da caracterização morfoagronômica. Os experimentos foram instalados no Centro de Seringueira e Sistemas Agroflorestais, em Votuporanga. Foram utilizados 20 genótipos de seringueira de alta performance que foram caracterizados usando 20 descritores UPOV (International Union for the Protection of New Varieties of Plants). Análises multivariadas foram realizadas para obtenção da matriz de dissimilaridade com o cálculo do complemento do índice de coincidência simples que foi utilizado na representação gráfica dos agrupamentos pelo método de otimização de Tocher. A importância dos descritores foi determinada através do índice de Shannon-Weaver. Todas as análises foram realizadas no programa Genes. Os genótipos foram divididos em 5 grupos pelo método de Tocher sendo que no primeiro estava a maior parte dos clones malaios utilizados e os clones IAC ficaram separados em quatro grupos devido à divergência genética presente entre eles. Os resultados obtidos pela técnica de Shannon-Weaver indicam que os descritores: formato do lançamento foliar, intensidade da cor e comprimento da lâmina foliar foram os mais importantes na discriminação dos genótipos em campo. O método de otimização aplicado sobre descritores foi efetivo em alocar os genótipos em diferentes grupos e é adequado para identificar genótipos divergentes para futuros cruzamentos no programa de melhoramento da seringueira.

**Palavras-chaves:** melhoramento, multivariada, tocher, Upov

1 Autor, Bolsista CNPq (PIBIC): Graduação em Engenharia Agrônoma, Unifev, Votuporanga-SP; E-mail: mrlmos11@hotmail.com

2 Colaborador, Graduação em Engenharia Agrônoma, Unifev, Votuporanga-SP.

3 Graduação em Engenharia Agrônoma, Unifev, Votuporanga-SP.

4 Colaborador: Pesquisador Visitante do Centro de Seringueira e Sistemas Agroflorestais, Votuporanga-SP.

5 Orientador: Pesquisador Visitante do Centro de Seringueira e Sistemas Agroflorestais, Votuporanga-SP; isabelacsantanna@gmail.com.



## GENETIC DIVERSITY AND CHARACTERIZATION OF RUBBER TREE USING DESCRIPTORS

**ABSTRACT** *The Instituto Agrônomo (IAC) has been responsible for the efforts in the genetic improvement of rubber in Brazil, which has as one of the main goals high yield genotypes. In order to continue to achieve this aim, the genetic diversity of the breeding population has to be maintained. Thus, the present work aims to study the genetic diversity rubber tree genotypes through morpho-agronomic characterization. 20 genotypes of rubber tree were characterized using 20 UPOV descriptors (International Union for the Protection of New Varieties of Plants). The experiments were installed in the experimental area at the Centro de Seringueira e sistemas agroflorestais, in the Votuporanga. The data were analyzed using the complement of the simple coincidence index that was used in the optimization of Tocher. The importance of the descriptors was provided through the Shannon-Weaver index. All analyzes were performed using the Genes program. The genotypes were separated into 5 groups by the Tocher method and most of the Malaysian genotypes were together in cluster one. The IAC genotypes were reported in more than four clusters. The results obtained by the Shannon-Weaver technique indicate that the descriptors shape of the leaf storage, color intensity of leaves, length of the leaf blade were the most important in the discrimination of genotypes in the field. The cluster method applying on descriptors was effective in allocating genotypes to different groups and are suitable for identifying divergent genotypes for future crossings in the rubber tree breeding program.*

**Keywords:** multivariate, breeding, Tocher, UPOV.